NS5A-35:　（non-SVR：Null response）

CTCCGGCGTGCAAACCTCTCCTACGGGATGAGGTCACATTTTGTGTCGGGCTCCACCAGTACGTGGTCGGGTCACAGCTTCCCTGCGAGCCCGAACCGGACGTAGCAGTGCTCACTTCCATGCTCACCGACCCCTCCCACATTACAGCAGAGGCGGCTAAGCGTAGGCTGGCACGGGGTTCGCCCCCCTCCTTGGCCAGCTCTTCAGCTAGCCAGCTGTCTGCGCCTTCCCTGAAGGCGACATGCACTACCNATCATGACTCCCCAGACGCTGACCTCATCGAGGCCAACCTCCTGTGGCGGCAGGAGATGGGCGGAAACATCACCCGCGTGGANTCTGAAACAAGGTAGTAATCCTGGATTCTTTCGACCCGCTCCGGGCGGAGGAGGATGAGAGGGAAGTATCCGTTGCAGCGGAGATCCTGCGGAGATCCAAGAGGTTCCCCTCCGCGCTGCCCGTATGGGCGCGCCCGGATTACAATCCTCCANTGTTAGAGTCCTGGAAAGACCCGGATTACGTCCCTCCGGTGGTACACGGGTGCCCACTGCCGCCTGACAAGGCCCCTCCAATACCACCTCCACGGAGAAAAAGGACGGTTGTTCTGACAGATTCCACCGTGTCTTCTGCCTTGGCAGAGCT

**NS5A-40:** （Non-SVR：Relapser）

CCAGCGTGCAAACCTCTCCTGCGGGATGAGGTCACATTCCAGGTCGGGCTCAACCAATACCCGGTTGGGTCACAGCTCCCATGTGAGCCCGAGCCGGATGTAACGGTGGTCACTTCCATGCTTACCGACCCCTCCCACATTACAGCAGAGACGGCTAAGCGTAGGCTGGCCAGGGGGTCTCCCCCTTCCTTGGCCAGCTCTTCAGCTAGTCAGCTGTCTGCGCCTTCCTTGAAGGCGACATGCACTACCCATCATGACTCCCCAGACGCTGATCTTATCGAGGCCAACCTCCTGTGGAGGCAGGAGATGGGCGGGAACATCACCCGCGTGGAGTCAGAGAACAAGGTAGTAATCCTGGACTCTTTTGACCCGCTCCGAGCGGAGGAGGACGAGAGGGAGGTATCCGTTGCGGCGGAGATCCTGCGGAAAACCAGGAAATTCCCCCCGGCGATGCCCATATGGGCACGGCCGGACTACAACCCACCANTGATAGAGCCTTGGAAGGACCCTGACTACGTCCCTCCGGTGGTGCACGGGTGCCCATTGCCACCTGCCAAGACCCCTCCAATACCACCTCCACGGAGAAAGAGGACGGTTGTCCTGACAGAATCCACCGTGTCTTCTGCCTTGGCGGAGCTTGCT

**NS5A-43:** （Non-SVR：Relapser）

CTCCGGCATGCAGACCTCTCCTACGGGAGGAGGTCGACTTCCAGGTCGGGCTCAACAAATTCCCGGTTGGGTCACAGCTCCCGTGTGAGCCCGANCCGGATGTAGCAGTGCTCACTTCTATGCTCACCGACCCCTCCCACATTACAGCAGAGACAGCCAAGCGTAGGCTGGCCAGGGGGTCTCCCCCCTCCTTGGCCAGCTCTTCAGCTAGCCAGTTGTCTGCGCCTTCCTTGAAGGCGACATGCACTACCCACCATGACTCCCCGGACGCCGACCTCATCGAGGCCAACCTCCTGTGGCGGCAGGAGATGGGCGGGAACATCACCCGTGTGGAGTCAGAAAATAAGGTAGTGATTCTGGACTCTTTCGAACCGCTCCGGGCGGAGGGGGATGAGAGGGAAATATCCGTTCCGGCGGAGATCCTGCGNAAACCCAGGAAGTTCCCTCCGGCGATGCCCATATGGGCTCGCCCGGATTACAACCCTCCACTGNTAGAGTCCTGGAAGGACCCGGACTACGTCCCTCCGGTGGTACACGGGTGCCCATTGCCGCCTACTAAGGCCCCTCCAATACCACCTCCACGGAGAAAGAGGACGATTGTCCTAACAGAGTCCACCGTGT

**NS5A-44:** （SVR）

CTCCGGCGTGCAAACCCCTCTTACGGGAGGAGGTCACATTCCAGGTCGGGCTCAACCAATACCTGGTTGGGTCACAACTCCCATGCGAGCCCGAACCGGATGTAGCAGTGCTCACCTCCATGCTCACCGACCCCTCCCACATCACAGCAGAGACGGCTGGGCGTAGGCTAGCCAGGGGGTCTCCCCCCTCCTTGGCCAGCTCTTCAGCTAGCCAGTTGTCTGCACCTTCTCTGAAGGCGACATGCACTACCCATCATGACTCCCCAGACGCCGACCTCATCGAAGCTAACCTCCTGTGGCGGCAGGAGATGGGCGGGAACATCACCCGCGTGGAGTCAGAAAATAAGGTAGTAGTCTTGGACTCTTTCGACCCGCTTCGAGCGGAGGAGGAAGAGAGGGAACCATCCGTTGCAGCGGAGATCTTGCGGAAAACCAAGAAGTTCCCCCCGGCGATTCCCATATGGGCGCGGCCGGATTATAATCCTCCCCTGCTAGAGTCCTGGAAGAACCCGGACTACGTGCCTCCGGTGGTACACGGGTGCCCACTGCCACCTACCAAGGCCCCTCCAATACCACCCCCACGGAGAAAGAGGGTAGTTGTCCTGACAGAGTCCACCGTGTCTT

**NS5A-55:** （Non-SVR：Relapser）

CTCCGGCGTGCAAACCCCTCCTACGGGAGGACGTCACATTCCAGGTCGGACTCCACCAATACTTGGTTGGGTCACAGCTCCCATGCGAGCCCGAACCGGATGTGGCNGTGCTCACTTCCATGCTCACCGACCCCTCCCATATTACAGCAGAGACGGCGAAGCGTANGCTGGCCAGGGGGTCCCCCCCCTCCTTGGCCAGCTCTTCAGCTAGCCAGTTGTCTGCGCCTTCCTTGAAGGCGACATGCACNACTCATCATGACTCCCCGGACGCTGACCTCATNGAGGCCAANCTCCTGTGGCGGCAGGAGATGGGCGGCAACATCACCCGCGTGGAGTCAGAGAATAAGGTAGTAATTCTGGACTCTTTCGACCCACTTCGAGCAGAGGAGGACGAGAGGGAACCATCCGTTGCGGCGGAGATCTTGCGGAAATCCAAGAGGTTCCCCGTCGCGATGCCCATATGGGCNCGCCCGGATTACAACCCTCCATTGCTAGAGTCCTGGAAGGACCCGGANTACGTCCCTCCGGTGGTGCACGGGTGCCCGCTGCCGCCTACCAAGGCTCCTNCAATACCACCCCCACGGAGAAAGAGGACGGTTGTC

**NS5A-64:** （Non-SVR：Null response）

CTCCGGCGTGTAAACCTCTCCTACGGGAGGAGGTCACATTCCAGGTCGGGCTCAACCAATACCTGGTTGGGTCACAGCTCCCATGCGAGCCCGAACCGGATGTGGCAGTGCTCACTTCCATGCTCACCGACCCCTCCCACATTACAGCAGAAACGGCTAAGCGCAGGCTGGCTAGGGGGTCTCCCCCCTCCTTGGCCAGCTCCTCAGCTAGCCAGTTGTCTGCGCCTTCTTTGAAGGCGACATGCACTACCAACCACGACTCCCCGGACGCCGACNTCATCGAGGCCAACCTCCTGTGGCGGCAGGAGATGGGCGGGAACATCACCCGTGTGGAGTCGGAGAATAAGGTAGTAATTCTGGACTCTTTCGAGCCGCTTCGAGCGGAGGAGGATGAGAGGGAAGTATCCGTTCCGGCGGAGATCCTGCGAAAATCCAGGAAGTTCCCTCCGGCGCTGCCCGTATGGGCNCGCCCGGATTACAATCCTCCACTGTTAGAGTCCTGGAAGGACCCGAACTACACCCCTCCAGTGGTACACGGGTGCCCATTACCACCTACCAAGGCCCCTCCAATACCACCACCACGGAGGAAGAGGACGGTTGTCCTGACAGAATCCACCGTCTCTTCTGCTTTGGCAG

**NS5A-67:** （SVR）

CTCCGGCGTGCAAACCTCTCCTACGGGACGAGGTCACATTCCAGGTCGGGCTCAACCAATACCCGGTTGGGTCACAGCTCCCGTGTGAGCCCGAACCGGACGTAGCAGTGCTCACCTCCATGCTCACAGATCCCTCCCACATCACAGCAGAGGCGGCTAAGCGTAGGCTGGCCAGGGGGTCTCCCCCCTCCCTGGCTAGCTCTTCAGCTAGCCAGCTGTCTGCGCCTTCTCTGAAGGCGACGTGCACTACCCATCGTGACTCCCCGGACGCTGACCTCATCGAGGCCAACCTCCTGTGGCGGCAGGAGATGGGCGGGAACATCACCCGTGTGGAATCAGAAAAAAGGTAGTGATTCTGGACTCTTTCGATCCGCTCCGGGCGGAGGAGGATGAGAGGGAAGTGTCCGTTCCGGCGGAGATCCTGCGAAAATCCAGGAAGTTTCCCCCGGCGCTGCCCATATGGGCACGCCCGGATTATAACCCTCCACTGCTAGAGCCCTGGAGAGATCCGGACTACGTCCCCCCAGTGGTACACGGGTGCCCATTGCCACCTACCAAGGCACCCCCAATACCACCTCCACGAAGGAAGAGGACGGTCGTCTTGACAGAGTCCACCGTGTCGTCCGCCTTGGCGGAGCTCGCTACCAAGACCTTCGGCAGCTCCGAATCNTCAGCCGTCGACAGCGGCACGGCGACCGCCCCTCCTGACCAG

**NS5A-72:** （SVR）

CTCCGGCGTGCAAGCCTCTCCTNCNGGATGAGGTCACATTCCAGGTCGGGCTCAACCAATACGTGGTTGGGTCACAGCTTCCATGTGAGCCCGAACCGGATGTAGCAGTGCTCACCTCCATGCTCACCGACCCCTCCCACATTACAGCAGANACGGCTAAGCGTAGGCTGGCCAGGGGATCCCCCCCCTCCTTGGCCAGCTCCTCAGCTAGCCAATTGTCTGCGCCTTCCCTGAAGGCGACATGCACCACCCGTCACGACTCCCCAGACGCCGACCTCATCGAGGCCAACNTCCTGTGGCGGCAGGAGATGGGCGGGAACATCACCCGCGTGGAGTCGGAGAACAAGGTGGTAATTCTGGACTCCTTCGAGCCGCTTCGAGCGGAGGAGGATGAGAGGGAGGTATCCGTCCCGGCGGAGATCCTGCGGAAATCCAGGAAATTCCCCCGAGCAATGCCCATATGGGCACGGCCGGATTATAACCCTCCACTGATAGAGTCCTGGAA

**NS5A-73:** （Non-SVR：Relapser）

CTCCGGCGTGCAAACCTCTCTTACGGGAGGAAGTCACATTCCAGGTCGGGCTCACCAATACCTGGTTGGGTCACANCTCCCNTGCGAGCCCGAACCGGATGTAGCAGTGCTCACTTCCATGCTCACCGACCCCTCCCACATTACAGCAGAGACGGCTAAACGTAGNCTNGCCAGGGGGTCTCCCCCCTCCTTAGCCAGCTCTTCAGCTAGTCAGTTGTCTGCGCCTTCTTTGAAGGCGACATGTACTACCCATCATGACTCCNNGGACNTNGACCTCATCGAGGCCAACCTCCTGTGGCGGCAGGAGANGGGCGGGAACATCACCCGCGTGGAGTCAGAGAATAAGGTNTNATTCTGGACTCTTTCGANCCGCTTCNAGCGGAGGAGGATGAGAAGGAACCATCCG

**NS5A-77:** （SVR）

CTCCGGTGTGCAAACCTCTCCTACGGGATGAGGTCTCATTCCAGGTCGGGCTCAACCAATACGTGGTTGGGTCACAACTCCCATGCGAGCCCGAACCGGACGTAGCAGTGCTTACATCCATGCTCACCGACCCCTCCCACATTACTGCAGAGACGGCTAGACGTAGGCTGGNCAGANGGTCTCCCCCCTCCTTGGCCAGCTCTTCAGCCAGCCAGTTGTCTGCGGTTTCTTTGAAGGCGGCGTGCACTACAAACCATGACTCCCCAGACGCTGATCTCATCGAGGCCAACCTCCTGTGGCGGCAGGAGATGGGTGGAACCATTACCCGTGTGGAGTCAGAGAATAAGGTGGTGATTCTGGACTCCTTCGACCCGCTTCGAGTGGAGGAAGATGAGAGGGAAATGTCCGTTGAGGCGGAGATCCTGCGGAAACCCAGGAAGTTCCCTTAGCGNTGCCCATATGGGCACGCCCAGATTACAACCCTCCANTGCTAGAGCCCTGGAAGGACCCGGACTACACTCCTCCAGTGGTGCATGGGTGCCCATTGCCGCCTACCAAGGCCCCCCCAATACCACCCCCACGGAGGAAGAGGACGGTTGTCCTGACAGAGTCCAGTGTGTTTTCTGCCTTGGCG

**NS5A-78:** （SVR）

CGCTCCGGCGTGCAAGCCTCTCCTACGGGACGAGGTCACATTCCAGGTCGGGCTCAACCAGTACCCGGTTGGATCACAGCTCCCATGTGAGCCTGAGCCGGANGTAACAGTGGTTACTTCCATGCTCACCGACCCCTCTCACATTACNGCAGANNCGGCTAGGCGAGGCTGGCCAGANGGTCTCCACCTTCCCTGGCCAGCTCTTCAGCTAGTCAGTTGTCTGCGCCCTCCTTGAAGGCGACATGCACNACNCGTCATGACTCCCCGGACGCTGACCTCATCGAAGCCAACCTCCTGTGGCGGCAGGAGATGGGCGGAAACATCACCCGAGTGGAGTCAGAGAATAAGGTGGTAATCCTAGACTCCTTTGAACCGCTTCAAGCGGAGGAGGATGAGAGGGAAGTGTCCGTTGCGGCGGAGATCCTGCGGAAAACCAGGAAATTCCCCGCAGCGATGCCCATATGGGCACGCCCGGACTACAACCCACCATTACTGGAGTCTTGGAAGAACCCGGACTATGTCCCTCCGGTGGTGCATGGGTGCCCACTGCCACCTACCAAGGCCCCTCCAATACCACCTCCACGGAG

**NS5A-80:** （Non-SVR：Relapser）

CGCTCCGGCGTGCAAACCTCTCCTACGGGATGAGGTCACATTCCAGGTCGGGCTCAACCAATATCCGGTTGGGTCACAGCTNCCATGTGAACCNGAGCCGGATGTAACNGTNGTCACTTCCATGCTCACCGACCCCTCCCACATNACAGCAGAGGCGGCTGGGCGTAGGCTGGCCAGGGGATCTCCCCCTTCCTTGGCCAGCTCTTCGGCTAGTCAGCTGTCTGCNCCTTCCTTGAAGGCAACATGCACTACCCGTCATGACTCTCCAGACGCTGATCTCATCGAGGCCAACCTCCTGTGGCGGCAGGAGATGGGCGGGAACATCACCCGCGTGGAGTCAGAGAATAAGGTAGTAATCCTAGACTCTTTTGACCCGCTTCNAGCGGAGGAGGATGAGAGGGAAGTGTCCGTTGCGGCGGAGATCCTGCGAAAAACCAGGAAGTTCCCTCCGGCAATACCTATATGNGCNCNCCCGGACTACAATCCACCANTGATAGAGTCTTGGAAGAACCCGGACTACGTCCCTCCGGTGGTACACGGGTGCCCATTGCCACCAGCCAGGACCCCTCCAATACCACCTCCACGGAGAAAGAAGACGGTTGTCCTGACAGAATCCACCGTGTCTTCTGCCCTGGCGGAGCTTGCCACAA

**NS5A-82:** （SVR）

CGGCGTGCAAGCCTCTCCTGCGGGAGGAGGTCACGTTCCAGGTCGGGCTCAATCAATATCTGGTTGGGTCACAGCTCCCATGCGAGCCCGAACCGGACGTAGCAGTGCTTACTTCCATGCTCACTGACCCCTCCCACATTACAGCAGAGACGGCTAAGCGTAGGCTGGCCAGAGGGTCTCCCCCCTCCTTGGCCAGCTCTTCAGCTAGCCAGCTGTCTGCGCCTTCCTTGAAGGCGACATGCACTACCCACCATGACTCCCCGGACGCCGACCTCATCGAGGCCAACCTCTTGTGGCGGCAAGAGATGGGCGGGAACATCACCCGCGTGGAGTCAGAGAACAAGGTAGTAATTCTGGACTCTTTCGACCCGCTTCGAGCGGAAGAGGATGAAAGGGAAATATCCGTCCCGGCGGAGATCCTGCGGAAATCCAGGAAGTTCACCCAGGCGCTGCCCATATGGGCACGCCCGGACTATAACCCTCCACTGTTAGAGTCCTGGAAAGACCCGGACTACGTCCCTCCAGTGGTACACGGGTGCCCATTGCCGCCTACCAAGGCGCCCCCAATACCACCTCCACGGAGGAAGAGGACAGTCGTCCTGACAGAGTCCACCGTATCTTCTGCCTTGGCGGAGCTTGCCGCTAAGA

**NS5A-83:** （Non-SVR：Null response）

CTCCAGTATGCAGACCTCTCCTACGGGACGAGGTTATGTTCCAGGTCGGGCTCAACCAATACCCTGTTGGATCACAGCTTCCATGTGAGCCCGAGCCGGANGTGGCAGTACTCACTTCCATGCTCACCGACCCCTCCCACATTACAGCAGAGACGGCTAGGCGTAGGCTGGCCAGGGGATCCCCCCCCTCCTTGGCCAGCTCTTCAGCTAGCCAGTTATCTGCGCCTTCCTTGAAGGCGACATGCACTACCCACCACGACTCCCCAGACGCCGANCTCATTGAGGCCAATCTCCTGTGGCGGCAGGAGATGGGCGGGAACATCACCCGTGTGGAGTCAGAGANNNAGGTAGTAATTCTGGACTCCTTCGACCCGCTTCGGGCGGAGGAGGAGGAGAGGGAGATATCCGTTCCGGCGGAGATCCTGCGAAAATCCAGGAAGTTCCCNCAGCGATGCCCATATGGGCACGCCCAGATTACAACCCTCCATTACTAGNNNNNTGGAAAAGCCCGGACTACGTCCCTCCAGTGGTACACGGGTGCCCATTGCCGCCTACTAAGGCCCCTCCAATACCACCTCCACGGAGAAGGAGGACGGTTGTCCTGACAGAGTCCAACGTGTCTTCTG

**NS5A-88:** （SVR）

CTCCGGCGTGTAAACCTCTCCTACGGGATGAGGTCACGTTCCAGGTCGGGCTCAACCAATACCCAGTTGGGTCACAGCTCCCATGCGAGCCCGAACCGGATGTGGCAGTGCTTACTTCCATGCTCACCGACCCCTCCCACATCACAGCAGAGACGGCTAAGCGTAGGTTGGCCAGGGGGTCTCCCCCCTCCTTGGCCAGCTCTTCAGCTAGCCAGTTGTCTGCGCCTTCTTTAAAGGCGACATGCACTACCCATCGTGACTCCCCGGACGCTGACCTCATCGAGGCCAACCTCCTGTGGCGGCAGGAGATGGGCGGAAACATCACTCGTGTGGAGTCAGAGAATAAGGTNNTAATTCTGGACTCTTTCGACCCGCTTCACGCGGAGGAGGATGAGAGGGAAGTATCCGTTCCGGCGGAGATCCTGCGGAAATCCAGGAAGTTCCCTACGGCGATGCCCATATGGGCACGCCCAGATTACAACCCTCCACTGTTAGAGTCCTGGAAGGACCCGGACTACGTCCCTCCGACGGTACACGGGTGCCCATTGCCACCTACCAAAGCCCCTCCGATACCACCTCCACGGAGAAAGAGGACGATTGTCCTGACAGAGTCCACTGTGTCTTCTGCCTTGGCGGAGCTCGCTACCA

**NS5A-89:** （SVR）

CTCCGGCGTGCAAACCTCTCCTACGGGATGAGGTCACATTCCAAGTCGGGCTCAACCAATTCCCGGTTGGGTCGCAGCTCCCATGCGAACCAGAACCGGATGTAGTAGTGGTCACCTCCATGCTCACTGACCCCTCCCACATTACAGCAGAGACAGCTAAGCGTAGGTTGGCCAGAGGGTCTCCCCCTTCCTTGGCCAGCTCTTCAGCTAGTCAATTGTCTGCGCCCTCCTTGAAGGCGACATGCACCACCCGTCATGACTCTCCGGACGCTGACCTCATCGAGGCCAACCTCCTGTGGCGGCAGGAGATGGGAGGGAACATCACCCGTGTGGAGTCAGAAAATAAAGTGGTAATTTTAGACTCTTTTGACCCGCTCCGAGCGGAGGAGGATGAGAGGGAAGTGTCCGTTGAGGCGGAGATCCTGCGGAAAACCAGGAAATTCCCCCCAGCGATGCCCATATGGGCACGCCCGGACTACAACCCACCACTGATAGAGCCCTGGAGGGACCCGAACTACGTCCNNCCGGTGGTACACGGGTGCCCATTGCCACCTACTAGGGCCCCTCCAATACCACCTCCACGGAGAAAGAGGACAGTTATCCTGACAGACTCCACCGTGTCTTCTGCGTTGGCGGAGCTTGCTACAAAA